

Последовательность

В одном лабораторном центре исследователи ежедневно анализируют ДНК-последовательности, чтобы лучше понять генетическую структуру организмов. Иногда в таких последовательностях встречаются длинные повторы одинаковых азотистых оснований, и их быстрое обнаружение имеет важное значение для исследований, связанных с передачей генетической информации.

Для автоматизации анализа лаборатория решила использовать программу, которая может обнаружить самый длинный фрагмент, составленный из одного и того же символа. Дана ДНК-последовательность (строка, состоящая из символов А, С, G, Т). Требуется определить самый длинный повтор в последовательности. Под повтором понимается подстрока максимальной длины, состоящая из одного и того же символа.

Задача. Разработайте программу, которая определит длину самой длинной последовательности одинаковых символов, расположенных подряд, в данной строке.

Входные данные. Программа получает одну строку из n символов, состоящую из букв А, С, G, Т.

Выходные данные. Вывести одно целое число - длину самого длинного повтора. Ограничения по времени выполнения и объему используемой памяти приведены в общем описании задач, предлагаемых к решению.

Ограничения: $1 \leq n \leq 10^6$.

Пример.

Ввод

CGTTTTACCCGG

Вывод

4